

SEQUENCE LISTING

<110> Cawthon, Richard

<120> METHODS OF PREDICTING MORTALITY RISK BY DETERMINING TELOMERE LENGTH

<130> A-71933

<140> US 10/543,111

<141> 2005-07-22

<150> PCT/US 2004/002215

<151> 2004-01-26

<150> US 60/442,456

<151> 2003-01-24

<160> 10

<170> PatentIn version 3.3

<210> 1

<211> 37

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Synthetic

<400> 1

ggtttttag ggtgagggtg agggtgaggg tgagggt

37

<210> 2

<211> 39

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Synthetic

<400> 2

tcccgactat ccctatccct atccctatcc ctatcccta

39

<210> 3

<211> 90

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 3

ccctaaccct aaccctaacc ctaaccctaa ccctaaccct aaccctaacc ctaaccctaa

60

ccctaaccct aaccctaacc ctaaccctaa

90

<210> 4

<211> 90

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 4		
ttagggtag ggttagggtt agggtaggg ttagggtag ggttagggtt agggtaggg	60	
ttagggtag ggttagggtt agggtaggg	90	
<210> 5		
<211> 6		
<212> DNA		
<213> Homo sapiens		
<400> 5		
ttaggg	6	
<210> 6		
<211> 39		
<212> DNA		
<213> Artificial		
<220>		
<223> Synthetic		
<400> 6		
cggttgggtt gggttgggt ttgggttgg gtttgggtt	39	
<210> 7		
<211> 39		
<212> DNA		
<213> Artificial		
<220>		
<223> Synthetic		
<400> 7		
ggcttgcctt acccttaccc ttacccttac ccttaccct	39	
<210> 8		
<211> 23		
<212> DNA		
<213> Artificial		
<220>		
<223> Synthetic		
<400> 8		
cagcaagtgg gaaggtgtaa tcc	23	
<210> 9		
<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial		
<220>		
<223> Synthetic		
<400> 9		

cccattctat catcaacggg tacaa

25

<210> 10
<211> 42
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Synthetic

<400> 10
ttagggttag ggttagggtt agggtttaggg tttagggtag gg

42